

1. zobrazte strukturu s PDB kódem 3FA0
 2. zjistěte následující informace:
 - a. o jakou strukturu se jedná
 - b. jakým typem experimentu byla připravena
 - c. jaké je rozlišení struktury
 - d. kdo je autorem experimentu, kolik citací má publikace, v níž se experiment uvádí
 3. zobrazte pouze sekundární strukturu molekuly
 4. obarvte α -helixy modře, β -skládané listy žlutě
 5. jak dlouhý je nejdelší z helixů
 6. jaká je délka vodíkových vazeb mezi aminokyselinami E22 a R137
 7. jaký je vazebný úhel v aminokyselině E22 (karboxylová skupina, čísla atomů 188-187-189)
 8. které z leucinů (L15, L33, L99 a L121) jsou vystaveny okolnímu polárnímu prostředí a které jsou „schovány“ uvnitř proteinu
 9. ke struktuře načtěte strukturu s kódem 148L (analogická struktura, navíc obsahuje ligandy)
 - a. přeložte struktury přes sebe, jaké je RMSD takto přeložených struktur
 - b. zobrazte ligandy u struktury 148L (Action->preset->ligand sites->cartoon)
-

Programy Pymol a Inkscape připravte obrázek do publikace:

PDB ID: 451C

