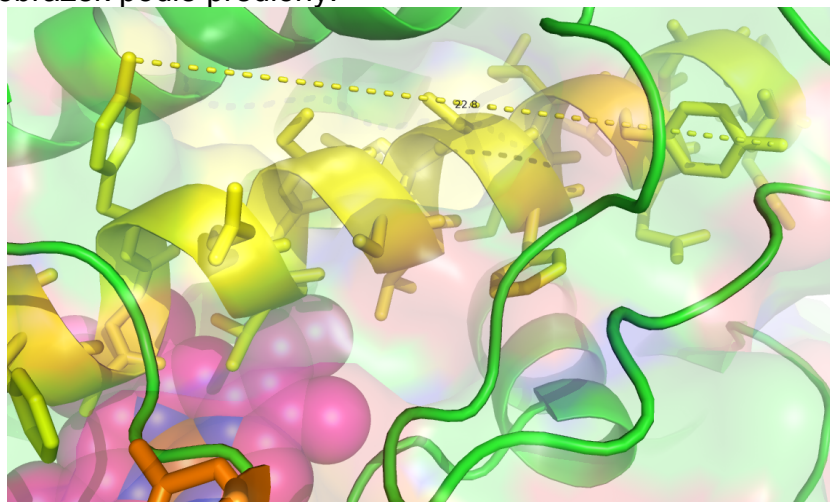


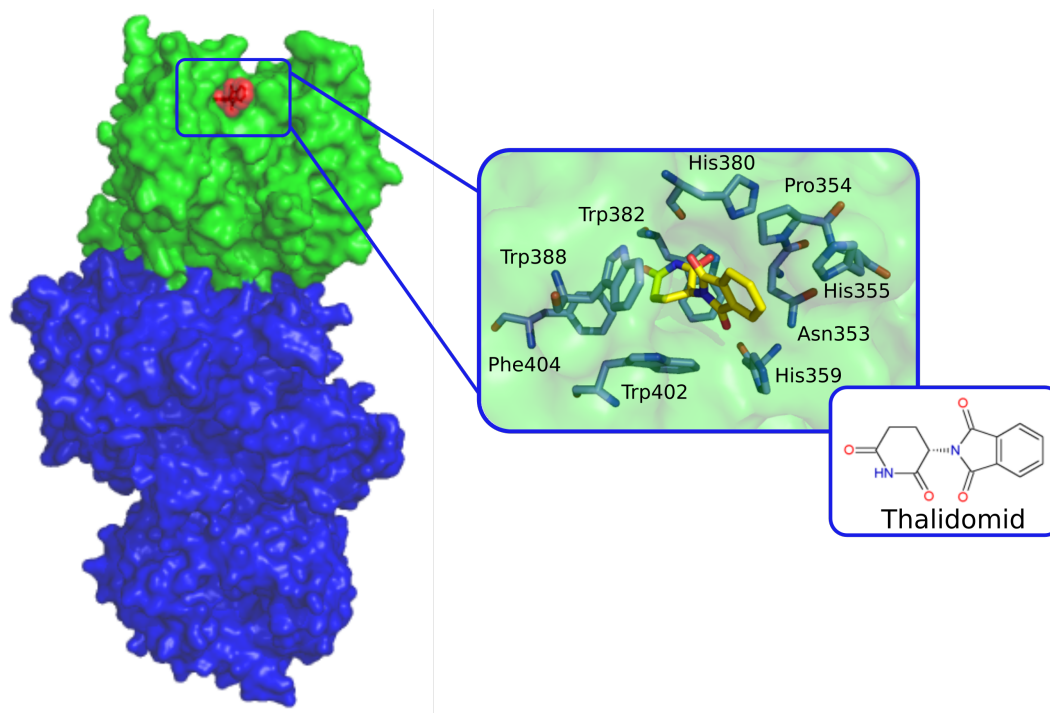
Vytvořte obrázek podle předlohy.



- PDB kód: **1TQN**
- zobrazte pouze sekundární strukturu, vymažte všechny molekuly vody, skryjte lines
- vyberte hemový kofaktor – **HEM** a zobrazte v reprezentaci spheres
- HEM vybarvěte barevnou paletou podle prvků (color – by element)
- vyberte aminokyseliny od **216 do 236** a obarvěte je na oranžovo, dále zobrazte všechny tyto vybrané aminokyseliny jako sticks
- vyberte aminokyseliny **291 až 326**, vybarvěte žlutě a zobrazte jako sticks
- pomocí režimu **Measurement** změřte vzdálenost mezi **OH-skupinami** tyrosinů: **Y307 a Y319**
- zobrazte molekulární povrch (show – surface)
- nastavte 80% průhlednost (Transparency), pozadí z černé vyměňte za bílou
- obrázek natočte podle předlohy a vyhleďte pomocí tlačítka Ray
- uložte jako obrázek ve formátu png

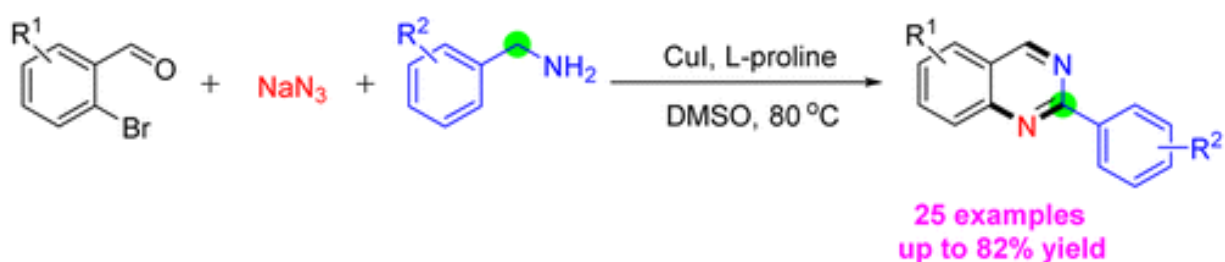
Vytvořte obrázek dle předlohy:

- vyjděte z pdb kódu 4CI1
- řetězec A (chain A) je znázorněn modře, B zeleně
- ligand thalidomid (reziduum číslo 1429, v PDB reziduum EF2)
- popis aminokyselin ve výřezu odpovídá číslům reziduí v PDB



upraveno podle: Bulatov, E.; Ciulli, A.: Biochem. J.; 467(3), 365-386, 2015

Chemskech – opakování



[Journal of Organic Chemistry, DOI: 10.1021/acs.joc.5b02843]

